

**天
净
沙
系
列**

CAT#: 210702-5
低温运输, -20℃保存

BINGENE

DNA 探针地高辛标记试剂盒 (PCR 法)

使用手册 V1.0

江苏天净沙基因诊断技术有限公司

网址: www.bingene.com; 电话: 400-6605850; 电邮: order@bingene.com

原理及特点	<p>用 PCR 对 DNA 进行地高辛标记的原理是用带地高辛标记的 dNTP 进行 PCR，这些 dNTP 掺入到 PCR 产物中之后，扩增得到的 DNA 片段自然就带有地高辛标记，可以直接用于杂交试验。本产品就是基于上述原理开发，它具有下列特点：</p> <ol style="list-style-type: none"> 1. 一站式，本试剂盒提供经过优化的试剂，不需要用户自己摸索标记条件。 2. 优化的地高辛掺入率，能有效降低探针中地高辛分子之间的可能空间阻碍，检测效果佳。 3. 所得的地高辛标记 DNA 探针可以用于 Southern 杂交、Northern 杂交、原位杂交、菌落杂交和斑点印迹杂交等分析。 4. 既可用于制备双链 DNA 探针，也可以用于单链 DNA 探针。 5. 一次标记反应可以得到 ug 级的地高辛标记双链 DNA 探针或约 700ng 地高辛标记的单链 DNA 探针，足够多次杂交实验用。 6. 本产品足够 5 次非标记 PCR 反应和 5 次地高辛标记 PCR 反应（均指 50uL 体系）。 																								
规格及成分	<p style="text-align: center;">本产品使用五孔盒包装</p> <table border="1" style="width: 100%; border-collapse: collapse; text-align: center;"> <thead> <tr> <th>成份</th><th>编号</th><th>规格</th><th>包装材料</th></tr> </thead> <tbody> <tr> <td>标记专用 PCR Mix(含酶)</td><td>210701a</td><td>60 uL</td><td>0.5 mL 红盖管</td></tr> <tr> <td>dNTP Mix, 2.5 mM each</td><td>210701b</td><td>25 uL</td><td>0.5 mL 白盖管</td></tr> <tr> <td>含 DIG-11-dUTP 的 dNTP, 2.5mM</td><td>210702a</td><td>25 uL</td><td>0.5 mL 绿盖管</td></tr> <tr> <td>超纯水</td><td>210806-1</td><td>1 mL</td><td>1.5mL 黄盖管</td></tr> <tr> <td>使用手册</td><td>210702sc</td><td>1 份</td><td></td></tr> </tbody> </table>	成份	编号	规格	包装材料	标记专用 PCR Mix(含酶)	210701a	60 uL	0.5 mL 红盖管	dNTP Mix, 2.5 mM each	210701b	25 uL	0.5 mL 白盖管	含 DIG-11-dUTP 的 dNTP, 2.5mM	210702a	25 uL	0.5 mL 绿盖管	超纯水	210806-1	1 mL	1.5mL 黄盖管	使用手册	210702sc	1 份	
成份	编号	规格	包装材料																						
标记专用 PCR Mix(含酶)	210701a	60 uL	0.5 mL 红盖管																						
dNTP Mix, 2.5 mM each	210701b	25 uL	0.5 mL 白盖管																						
含 DIG-11-dUTP 的 dNTP, 2.5mM	210702a	25 uL	0.5 mL 绿盖管																						
超纯水	210806-1	1 mL	1.5mL 黄盖管																						
使用手册	210702sc	1 份																							
运输及保存	低温运输，-20℃保存，有效期一年。																								
自备试剂	DNA 模板和模板专一性引物，常规 PCR Mix。																								
使用方法	<p>一：准备工作</p> <ol style="list-style-type: none"> 1. 按常规的方法设计 PCR 引物，使 PCR 产物（探针）长度在 400-800bp 之间。过短则地高辛标记掺入少，探针杂交信号强度减弱；过长则非特异杂交增加，背景变强。 2. 为保证成功率，最好先用常规 PCR 产物制备 DNA 片段，再以之为模板进行标记 PCR 反应。不推荐以基因组 DNA 或其他背景复杂的 DNA 为模板直接进行 PCR 标记反应。 <p>二：用常规 PCR 制备模板</p>																								

3. 用自备的 PCR 试剂盒按下表设置 50uL 的常规 PCR 反应以制备标记 PCR 模板：

成份	加入量
自备的 2×PCR Mix (含酶含的 NTP)	25 uL
引物一和引物二 (10 pmol/uL)	各 5 uL
1 ug 基因组 DNA 或 1ng 质粒 DNA	1 uL
超纯水	补到 50 uL

4. 按引物 Tm 值设计的 PCR 参数进行常规 PCR。
5. 用自备胶回收试剂盒回收常规 PCR 产物并定量。胶回收步骤可以去残留引物，避免这些引物对后续的标记 PCR 反应的干扰。

三：标记 PCR 反应

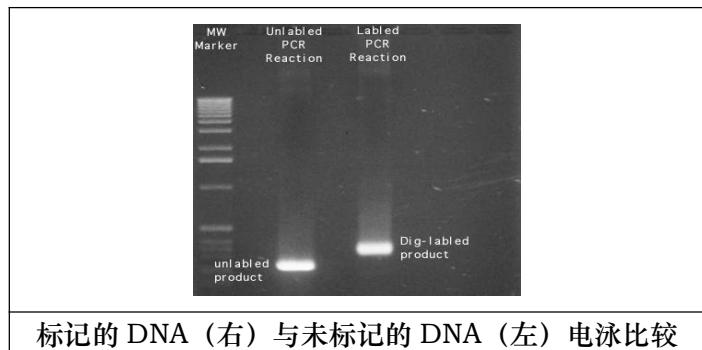
注意：由于双链 PCR 探针在杂交时变性的双链彼此还会复性，降低杂交效率，因此强烈推荐使用单链标记 PCR。在设置标记 PCR 时必须做一个常规 PCR 对照（本试剂盒足够 5 次标记 PCR 和 5 次常规 PCR 对照）。

成份	标记 PCR	常规 PCR
标记专用 PCR Mix (含酶)	6 uL	6 uL
含 DIG-11-dUTP 的 dNTP, 2.5mM	5 uL	不加
dNTP Mix, 2.5 mM	不加	5 uL
若双链标记，加引物一和引物二 若单链标记，只加一条引物	各 50 pmol	各 50 pmol
胶纯化所得 PCR 产物	10 ng (对双链标记) 100ng (对双链标记)	10 ng (对双链标记) 100ng (对双链标记)
超纯水	补到 50 uL	补到 50 uL

6. 由此步所用的 PCR 引物和第 3 步的 PCR 引物完全一样，故可以参考第 3 步 PCR 参数进行标记 PCR，但需要进行下列修改：一是循环数增加到 35-55 个循环，使扩增得到的探针 DNA 片段参差不齐，杂交时这种 DNA 能形成网络结构，杂交效果比长度整齐的 DNA 更好；二是延伸步骤的时间增加 15 秒，因为标记 dUTP 掺入到 DNA 的速度比常规的 dTTP 慢，增加延伸步骤的时间可以保证更多的标记 dUTP 掺入到合成的 DNA 探针中；三是降低复性温度 5-7°C，因为标记核苷酸参入到 DNA 后，含

标记核苷酸的 DNA 的 Tm 值将比正常的 DNA 降低。

7. PCR 结束后，取标记 PCR 反应液和对照反应液 3-5 uL 进行琼脂糖凝胶电泳（一定要使用浓度已知的 DNA marker），检测标记是否成功。由于标记 DNA 含有额外的标记物、分子量更大，其泳动速度将慢于常规 PCR 产物。下图是一个典型的双链标记 PCR 产物和常规 PCR 产物电泳速度差异的比较图：



8. 探针的定量：电泳所用的 DNA marker 浓度已知（如果不确定，可以问供应商），上样体积已知，故上样量已知，就可通过双链探针 DNA 和 DNA marker 对应条带的相对亮度来估计探针 DNA 浓度。例如，如果探针长度为 500bp，而 marker 中 500bp 这条带的浓度是 10ng/uL，共上样 10uL，则 500bp 这条带的上样量为 100ng。标记的探针 DNA 在紫外下亮度只有它的一半，则探针 DNA 的上样量为 $100/2=50\text{ng}$ ，如果上样量是 5uL，则探针的浓度是 $50/5=10\text{ng/uL}$ 。但是，如果制备的是单链 DNA 探针，则不能按此法估计浓度，因为单链 DNA 结合核酸染料（如 EB 和 SYBR Green I）的能力远低于双链 DNA。但可以采用银染法定量（跟 marker 比较）。一般 100ng 模板经单链标记 PCR 扩增可得到 700ng 左右单链探针。
9. 单链 PCR 标记产物可以不经过纯化直接加入到杂交液中，双链 PCR 标记产物需要加热到 95-100 °C 5 分钟变性然后放冰上急冷后再加入到杂交液中使用。
10. 如果不立即使用，需要放-20 °C 长期保存，不能放常温保存，否则 Taq DNA 酶有残留的外切酶活性，探针 DNA 可能会被降解。如果需要纯化，请使用乙酸铵/乙醇沉淀法纯化（参考分子克隆手册）。

关联产品

柱式探针纯化试剂盒